Aufbaumodul			2. Semesterdrittel			WS 2016/2017				
Vorlesungsnummern:			190 072 (Vorlesung), 190 073 (Blockpraktikum), 190 074 (Seminar)							
Titel:			Molekulargenetik und Biotechnologie eukaryotischer Mikroorganismen							
Veranstaltungstyp:			Vorlesung, praktische Arbeiten im Labor, Seminar							
Modul wird angeboten für:			B.Sc.: ja		M.Sc.:	ja	B.A.:	ja	M.Ed.:	ja
M.Sc.: Schwerpunkt			Biotechnologie (weiß), Molekulare Botanik und Mikrobiologie							
M.Sc.: Fachprüfungen			FP I oder III: Botanik, Genetik, Mikrobiologie							
Weitere Zuordnungen auf Anfrage			FP II: Biotechnologie, Molekulare Genetik, Pflanzenphysiologie							
M.Ed.: Prüfungsbereich			Botanik, Genetik							
SWS: 13	CP: 10		Workload: 30	00 Stun	den		Angebot im: WS			
Kontaktzeit: 160 h Selbststudiur		m: 140 h Dauer: 4 Wochen + Vor- und Nachbereitung								
Lehrbereich:			Allgemeine und Molekulare Botanik							
Name der/des Dozent/innen:			Kück, Nowrousian, Jacobs, Teichert							
Teilnehmerzahl:			18							
Teilnahmevoraussetzungen:			Grundmodulprüfungen der Bachelorstudiengänge Biologie der RUB (B.A., B.Sc.) oder Bachelor-Abschluss.							
Termin der Vorbesprechung (Ort, Tag, Zeit):			Di, 11.10.2016, 14:30 Uhr, ND 7/133							
Beginn und Ende:			Praktikum: Mo, 21.1116.12.2016, ganztägig Vorlesung: Montag - Freitag 8.15 - 9.45 Uhr, ND 7/133 Seminar: nach Vereinbarung Klausur: 21.12.2016, 8:45 – 11 Uhr, ND 3/99							
Voraussetzungen für die Vergabe von Kreditpunkten:			Die CP werden vergeben, wenn korrekte <u>Protokolle</u> eingereicht, ein <u>Seminarvortrag</u> (20 Minuten) erfolgreich gehalten und die <u>Abschlussklausur</u> (2 Stunden) mit mind. "50%" bewertet wurde. Das Modul wird nicht benotet.							

## Lernziele und zugeordnete Prüfungsformen:

Nach Abschluss des Moduls werden die Studierenden über vertiefte Kenntnisse der molekularen Genetik sowie biotechnologischer Anwendungen von Algen und Pilzen verfügen (Abschlussklausur). Gleichzeitig lernen die Teilnehmer/innen, zentrale Methoden und Arbeitstechniken der Molekulargenetik anzuwenden und Versuchsergebnisse wissenschaftlich zu dokumentieren (Protokoll). Ebenso werden sie befähigt sein, wissenschaftliche Sachverhalte mündlich zu präsentieren (Vortrag).

## Inhalt:

Eukaryotische Mikroorganismen werden für viele Fragestellungen der aktuellen Biologie und Biotechnologie als Versuchsorganismen gewählt. Als Beispiel seien die Signaltransduktion innerhalb eukaryotischer Zellen oder der koordinierte Prozeß der Photosynthese genannt, die bevorzugt an eukaryotischen Mikroorganismen, wie z.B. einzelligen Grünalgen, Hefen und Hyphenpilzen, experimentell untersucht werden. Viele eukaryotische Mikroorganismen sind im Labor einfach kultivierbar und aufgrund eines kurzen Lebenszyklusses ideal für molekulargenetische Experimente und somit auch für biotechnologische Anwendungen. Das A-Modul bietet die Möglichkeit, mit Methoden der molekularen Genetik unter Verwendung eukaryotischer Versuchsorganismen vertraut zu werden.

## Folgende Versuche mit den entsprechenden genetischen und molekularbiologischen Methoden sind geplant:

- Einsatz von DNA-Modifikations-Enzymen und Klonierung von in vitro rekombinierter DNA in E. coli
- Transformation und molekularbiologische Analyse von transgenen Algen und Hyphenpilzen
- Isolierung von Nukleinsäuren aus Algen und Pilzen
- DNA-/RNA-Hybridisierung mit Nukleinsäuren aus eukaryotischen Zellen
- Transkriptanalysen durch das 'Northern-Blot' Verfahren
- Verwendung der PCR-Technologie (Polymerase Chain Reaction)
- Heterologe Genexpression in *E. coli* zur Synthese von Fremdproteinen
- Fluoreszenzmikroskopie (Varianten des grün-fluoreszierenden Proteins)
- Bioinformatik (Datenbanksuche, in silico-Klonierung, Verwendung von Genomdatenbanken)

## Literatur:

Lewin, Molekularbiologie der Gene, Spektrum-Verlag Kück, Praktikum der Molekulargenetik, Springer-Verlag Seyffert, Lehrbuch der Genetik, Spektrum-Verlag Kück & Frankenberg-Dinkel, Biotechnology, Walter de Gruyter-Verlag

Track a Frankonberg Billikol, Biologimology, Walter de Gray

Anmerkungen: Ständige Anwesenheit ist erforderlich.